

## INFORMAZIONI PERSONALI

### Francesco Vitali

📍 P.zza Pinturicchio 3/B, Empoli, Firenze

☎ 3938879288

✉ [Francesco.vitali@crea.gov.it](mailto:Francesco.vitali@crea.gov.it); [francesco.vitali.bio@gmail.com](mailto:francesco.vitali.bio@gmail.com)

PEC: francesco\_vitali@pec.it

 <https://www.linkedin.com/in/francesco-vitali-90b8b346/>

 [https://www.researchgate.net/profile/Francesco\\_Vitali3](https://www.researchgate.net/profile/Francesco_Vitali3)

 <https://orcid.org/0000-0001-9125-4337>

 57904650500

 [FrancescoVit](#)

Sesso M | Data di nascita 02/03/1985 | Nazionalità Italiana

## METRICHE

### SCOPUS

(<https://www.scopus.com/authid/detail.uri?authorId=57904650500>)

Articoli: 36

Citazioni: 540

H-Index: 15

## ESPERIENZA PROFESSIONALE

Dal 01/03/2022 al  
OCCUPAZIONE ATTUALE

### **Titolare contratto di lavoro subordinato a tempo determinato - Figura professionale: Tecnologo III livello**

- Sede: Consiglio per la Ricerca in Agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) -Centro di Ricerca Agricoltura e Ambiente (CREA-AA)
- Titolo dell'incarico:
- Progetti di ricerca coinvolti:
  - "Towards climate-smart sustainable management of agricultural soils - EJP-SOIL" progetto MINOTAUR
  - "Exploiting the multifunctional potential of belowground biodiversity in horticultural farming - EXCALIBUR (H2020)
- Principali attività: Gestione ed analisi bioinformatica dei dati genomici e metagenomici di comunità microbiche del suolo ottenuti con sequenziamento NGS. Campionamento del suolo per analisi del biota a diversi livelli (microrganismi, mesofauna, macrofauna). Analisi dei dati per la valutazione della diversità della mesofauna (QBS-ar). Valutazione dell'attività microbica del suolo tramite phenotype microarray (BIOLOG), ed analisi dei dati ottenuti. Analisi genomica e fenotipica di isolati batterici, per la loro caratterizzazione in vista dello sviluppo di possibili bioinoculi. Sviluppo di template atti alla raccolta dei dati di biodiversità del suolo, per la loro successiva organizzazione in un database centralizzato. Sviluppo di soluzioni web per l'interrogazione ed esplorazione di database contenenti dati di biodiversità del suolo e relativi metadati (dashboard).
- Responsabile scientifico: Dr. Stefano Mocali



Dal 02/08/2021 al  
01/03/2022

#### Assegnista di Ricerca

---

- Sede: Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria (IBBA) - Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) - Sede di Lodi
- Titolo dell'incarico: "Metagenomica computazionale, bioinformatica applicata alle scienze della nutrizione"
- Progetti di ricerca coinvolti: sPATIALS 3
- Principale attività: analisi bioinformatica dei dati metagenomici su comunità fungine in croste di taeggio ottenuto con metodi tradizionali ed innovativi.
- Supervisione scientifica: Dr.ssa Bianca Castiglione

Dal 04/11/2019 al  
30/04/2021

#### Assegnista di Ricerca

---

- Sede: Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria (IBBA) - Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) - Sede di Pisa
- Titolo dell'incarico: "Microbioma fecale come determinante dell'effetto della dieta sul rischio di cancro del colon-retto: confronto tra diete a base di carne e pesco-vegetariana"
- Progetti di ricerca coinvolti: MeaTIC
- Principale attività: mi sono direttamente occupato del trattamento e raccolta dei campioni fecali per l'analisi del microbiota tramite tecnica metagenomica targeted sia sulla componente batterica (sequenziamento Illumina MiSeq su regioni V3-V4 del gene che codifica per il 16S rRNA) che su quella fungina (sequenziamento Illumina MiSeq della regione ITS1).
- Supervisione scientifica: Dr.ssa Carlotta de Filippo

Dal 01/07/2019 al  
31/10/2019

#### Assegnista di Ricerca

---

- Sede: Università degli Studi di Firenze, Dipartimento di Biologia
- Progetto di ricerca: "Studio dell'interazione rizosfera-nematodi".
- Principale attività: analisi bioinformatica dei dati metagenomici ottenuti da un sistema sperimentale di interazione radicale tra pomodori e nematodi parassiti, allo scopo di valutare le caratteristiche della comunità microbica (batteri e funghi) nel suolo, anche a fronte di diversi trattamenti nematocidi.
- Supervisione scientifica: Prof. Duccio Cavalieri

Dal 16/01/2017 al  
14/02/2019

#### Assegnista di ricerca

---

- Sede: Istituto di Biometeorologia (IBIMET) - Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) - Sede di Firenze
- Titolo dell'incarico: "Procedure di annotazione e interrogazione di banche dati di metagenomica, nutrizione, ambiente"
- Progetti di ricerca coinvolti: ENPADASI
- Principale attività: sviluppo di una ontologia per la standardizzazione dei (meta) dati in studi nutrizionali umani
- Responsabile Scientifico: Prof. Duccio Cavalieri

Dal 16/04/2016 al  
31/12/2016

#### Titolare di contratto co.co.co.

---



- Sede: IRCCS materno-infantile Burlo Garofolo - Trieste.
- Titolo dell'incarico: "Procedure di annotazione e interrogazione di banche dati di metagenomica, nutrizione, ambiente"
- Progetti di ricerca coinvolti: ENPADASI
- Principale attività: sviluppo di una ontologia per la standardizzazione dei (meta) dati in studi nutrizionali umani
- Supervisione scientifica: Prof. Duccio Cavalieri

Dal 09/03/2015 al  
30/09/2015

#### Borsista di ricerca

- Università degli studi di Cagliari, Dipartimento di Scienze Biomediche.
- Titolo dell'incarico: "Studio delle comunità microbiche durante interventi di bonifica di ambienti marini con nuovi materiali assorbenti",
- Progetti di ricerca coinvolti: BIOLANCLEAN.
- Principale attività: valutazione (in mesocosmo di laboratorio) dell'efficacia di assorbimento e biorisanamento ad opera di materiali assorbenti realizzati a base di lana grezza di pecora
- Responsabile scientifico: Dott.ssa Elena Tamburini

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Dal 01/01/2012  
al 31/12/2014

#### Dottorato di Ricerca

Dottorato in Scienze e Tecnologie Vegetali, Microbiologiche e Genetiche; indirizzo Scienze e tecnologie Vegetali, Microbiologiche, Genetiche e Bioinformatica. CICLO XVII  
Svolto presso Dipartimento di Biologia, Università degli Studi di Firenze

Titolo della tesi: "Molecular methods for the analysis of microbial communities: application to natural environments affected by anthropogenic modifications." Tutor: Prof. Giorgio Mastromei, Dott. Enrico Casalone

Progetti di ricerca coinvolti: DEMETRA (Programma LIFE+), MAPMED (Programma ENPI-CBCMED)

Dal 01/09/2009  
al 26/07/2011

#### Laurea Magistrale

Laurea in Biologia - 110/110 e lode  
Università degli Studi di Firenze, Dipartimento di Biologia Evoluzionistica  
Titolo tesi: "Studio della biodiversità di popolazioni microbiche in suoli rizosferici di Populus e Acer".  
Tutor: Prof. Giorgio Mastromei

Dal 01/09/2004  
al 11/02/2009

#### Laurea Triennale

Laurea in Scienze Biologiche - 107/110  
Università degli Studi di Firenze, Dipartimento di Sanità Pubblica  
Titolo tesi: "Evoluzione dell'antibiotico resistenza in Listeria spp. Isolata da alimenti".  
Tutor: Prof.ssa Antonella Lo Nostro.



## COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre ITALIANO

Altre lingue

INGLESE

COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
Ascolto	Letture	Interazione	Produzione orale	
B2	C1	B2	B2	B2
Attestato Trinity college Grade 6 (equivalente B1) per inglese orale; Attestato corso Università degli studi di Firenze livello B2 per produzione scritta in ambito scientifico				

### Competenze comunicative

Buona capacità di interazione e comunicazione in ambito lavorativo. Buona abilità nella gestione dei rapporti interpersonali, sia con docenti e ricercatori, sia con studenti seguiti durante il loro tirocinio di tesi o durante il periodo di dottorato. Elevata predisposizione alla trasmissione delle proprie capacità e conoscenze in analisi dei dati, sia verso colleghi e collaboratori che verso studenti durante il loro tirocinio di tesi o durante il periodo di dottorato. Ottima affidabilità, estrema dedizione al lavoro. Buona disponibilità alla comprensione ed al rispetto delle posizioni altrui nelle interazioni con altre persone.

### Competenze organizzative e gestionali

Buone capacità nel gestire e organizzare le proprie attività, ottima capacità di lavoro in team. Disponibilità ed interesse a seguire più linee di ricerca contemporaneamente, versatilità ed interesse nell'imparare nuove tecniche/metodi di analisi, e all'aggiornamento professionale. Capacità di problem solving e buona attitudine al lavoro in presenza di stress.

### Competenze professionali

- Competenza e diretta esperienza delle principali tecniche di laboratorio in microbiologia classica (tecniche coltura-dipendenti) e tecniche di biologia molecolare (PCR, T-RFLP, Sequenziamento NGS o Sanger). Esperienza nell'adeguata gestione ed adeguato ottenimento del campione biologico, di origine umana o murina, o del campione ambientale. Competenza nello svolgimento di analisi fenotipiche su comunità o isolati microbici.
- Elevata esperienza nell'analisi dei dati, con particolare riferimento all'analisi delle comunità microbiche in differenti ambienti. Competenza nell'analisi di dati metagenomici. Esperienza nell'assemblaggio e mining di genomi procariotici. Competenza nell'analisi di dati di diversa natura, con applicazione di adeguate tecniche di analisi univariata e multivariata, e con applicazione di adeguate tecniche e modalità di visualizzazione del dato e dei risultati.
- Competenze bioinformatiche di livello avanzato e conoscenza e utilizzo di software specifici per l'analisi di dati. Ottima conoscenza e utilizzo del software R per l'analisi statistica dei dati, Buona



conoscenza e utilizzo di linguaggio BASH e buone capacità di BASH scripting. Esperienza nella gestione, progettazione e creazione di ontologie, in particolare applicate alla descrizione di studi nutrizionali. Esperienza nello sviluppo di dashboard (Shiny - R) per la visualizzazione e comunicazione di dati complessi.

## Altre competenze

### Competenze informatiche

- Utilizzo dei sistemi operativi Windows e Ubuntu,
- Conoscenza del pacchetto Office e OpenOffice;
- Padronanza software per la realizzazione di fogli di calcolo (Excel, Calc)
- Conoscenza ed uso di software per l'elaborazione di immagini, in particolare Inkscape, Gimp, Adobe Photoshop, Adobe Illustrator.
- Linguaggi conosciuti (in ordine decrescente di livello di esperienza): R, BASH, OWL, HTML, CSS, PYTHON

Capacità di lavoro con software di versioning e di condivisione quali Github o ZENODO. Conoscenza dei principi di FAIR data, e padronanza delle azioni da intraprendere per la loro implementazione.

## ULTERIORI INFORMAZIONI

### Pubblicazioni

1. De Filippo, C., Chioccioli, S., Meriggi, N., Troise, A. D., Vitali, F., Mejia Monroy, M., ... & Caderni, G. (2024). Gut microbiota drives colon cancer risk associated with diet: a comparative analysis of meat-based and pesco-vegetarian diets. *Microbiome*, 12(1), 180. <https://doi.org/10.1186/s40168-024-01900-2>
2. Lagomarsino, A., De Meo, I., Óskarsson, H., Rocchi, F., Vitali, F., & Pastorelli, R. (2024). Green-house gas fluxes and soil microbial functional genes abundance in saturated and drained peatlands in South-West Iceland. *Science of The Total Environment*, 174221. <https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2024.174221>
3. Chioccioli, S., Rocchetti, G., Ruzzolini, J., Urciuoli, S., Vitali, F., Bartolucci, G., ... & Lucini, L. (2024). Changes in Faecal Microbiota Profile and Plasma Biomarkers following the Administration of an Antioxidant Oleuropein-Rich Leaf Extract in a Rat Model Mimicking Colorectal Cancer. *Antioxidants*, 13(6), 724. <https://doi.org/10.3390/antiox13060724>
4. Del Duca, S., Mocali, S., Vitali, F., Fabiani, A., Cucu, M. A., Valboa, G., ... & Landi, S. (2024). Impacts of Soil Management and Sustainable Plant Protection Strategies on Soil Biodiversity in a Sangiovese Vineyard. *Land*, 13(5), 599. <https://doi.org/10.3390/land13050599>
5. Esposito, A., Del Duca, S., Vitali, F., Bigiotti, G., Mocali, S., Semenzato, G., ... & Zaccaroni, M. (2024). The great Gobi A strictly protected area: characterization of soil bacterial communities from four oases. *Microorganisms*, 12(2), 320. <https://doi.org/10.3390/microorganisms12020320>
6. Tamburini, E., Mandaresu, M., Lussu, R., Sergi, S., Vitali, F., Carucci, A., & Cappai, G. (2023). Metal phytostabilization by mastic shrub (*Pistacia lentiscus* L.) and its root-associated bacteria in different habitats of Sardinian abandoned mining areas (Italy). *Environmental Science and Pollution Research*, 30(58), 122107-122120. <https://doi.org/10.1007/s11356-023-30776-2>



7. Castellini, G., Cassioli, E., Vitali, F., Rossi, E., Dani, C., Melani, G., ... & De Filippo, C. (2023). Gut microbiota metabolites mediate the interplay between childhood maltreatment and psychopathology in patients with eating disorders. *Scientific Reports*, 13(1), 11753. <https://doi.org/10.1038/s41598-023-38665-x>
8. Vitali, F., Frascella, A., Semenzato, G., Del Duca, S., Palumbo Piccionello, A., Mocali, S., ... & Emiliani, G. (2023). Employing Genome Mining to Unveil a Potential Contribution of Endophytic Bacteria to Antimicrobial Compounds in the *Origanum vulgare* L. Essential Oil. *Antibiotics*, 12(7), 1179. <https://doi.org/10.3390/antibiotics12071179>
9. Mocali, S., Vitali, F., Canfora, L., Manfredini, A., Bigiotti, G., Antonucci, F., ... & Costa, C. (2023, May). Methodological framework towards the synthesis of multiple biological indices of soil quality. In *EGU General Assembly Conference Abstracts* (pp. EGU-16139). <https://doi.org/10.5194/egusphere-egu23-16139>
10. Semenzato, G., Del Duca, S., Vassallo, A., Bechini, A., Calonico, C., Delfino, V., ... & Fani, R. (2023). Genomic, Molecular, and Phenotypic Characterization of *Arthrobacter* sp. OVS8, an Endophytic Bacterium Isolated from and Contributing to the Bioactive Compound Content of the Essential Oil of the Medicinal Plant *Origanum vulgare* L. *International Journal of Molecular Sciences*, 24(5), 4845. <https://doi.org/10.3390/ijms24054845>
11. Gabriele, M., Vitali, F., Chelucci, E., & Chiellini, C. (2022). Characterization of the cultivable endophytic bacterial community of seeds and sprouts of *Cannabis sativa* L. and perspectives for the application as biostimulants. *Microorganisms*, 10(9), 1742. <https://doi.org/10.3390/microorganisms10091742>
12. Gargano, F., Guerrero, G., Piras, E., Serafini, B., Di Paola, M., Rizzetto, L., ... & Battistini, L. (2022). Proinflammatory mucosal-associated invariant CD8+ T cells react to gut flora yeasts and infiltrate multiple sclerosis brain. *Frontiers in Immunology*, 13, 890298. <https://doi.org/10.3389/fimmu.2022.890298>
13. Sharon, I., Quijada, N. M., Pasolli, E., Fabbri, M., Vitali, F., Agamennone, V., ... & Turrioni, S. (2022). The core human microbiome: does it exist and how can we find it? A critical review of the concept. *Nutrients*, 14(14), 2872. <https://doi.org/10.3390/nu14142872>
14. Vitali, F., Zinno, P., Schifano, E., Gori, A., Costa, A., De Filippo, C., ... & Cavalieri, D. (2022). Semantics of Dairy Fermented Foods: A Microbiologist's Perspective. *Foods*, 11(13), 1939. <https://doi.org/10.3390/foods11131939>
15. Vitali, F., Tortora, K., Di Paola, M., Bartolucci, G., Menicatti, M., De Filippo, C., & Caderni, G. (2022). Intestinal microbiota profiles in a genetic model of colon tumorigenesis correlates with colon cancer biomarkers. *Scientific Reports*, 12(1), 1432. <https://doi.org/10.1038/s41598-022-05249-0>
16. Iozzo, M., Vitali, F., Chiellini, C., Gammuto, L., Taddei, A., Amedei, A., & Fani, R. (2022). Preliminary Analysis of the Presence of Bacterial Azurin Coding Gene in CRC Patients and Correlation with the Microbiota Composition. *FRONTIERS IN BIOSCIENCE*, 27, 305-318.
17. Rodríguez-González, A., Vitali, F., Moya, M., De Filippo, C., Passani, M. B., & ORIO, L. (2021) Effects of alcohol binge drinking and oleylethanolamide pretreatment in the gut microbiota. *Frontiers in Cellular and Infection Microbiology*, 11, 113 <https://doi.org/10.3389/fcimb.2021.731910>
18. Vitali, F., Colucci, R., Di Paola, M., Pindo, M., De Filippo, C., Moretti, S., & Cavalieri, D. (2021). Early melanoma invasivity correlates with gut



- fungal and bacterial profiles. *British Journal of Dermatology*.  
<https://doi.org/10.1111/bjd.20626>
19. Sciavilla, P., Strati, F., Di Paola, M., Modesto, M., Vitali, F., Cavalieri, D., Prati, G. M., Di Vito, M., Aragona, G., De Filippo, C., & others. (2021). Gut microbiota profiles and characterization of cultivable fungal isolates in IBS patients. *Applied Microbiology and Biotechnology*, 105(8), 3277–3288. <https://doi.org/10.1007/s00253-021-11264-4>
  20. Cini, A., Meriggi, N., Bacci, G., Cappa, F., Vitali, F., Cavalieri, D., & Cervo, R. (2020). Gut microbial composition in different castes and developmental stages of the invasive homet *Vespa velutina nigrithorax*. *Science of the Total Environment*, 745, 140873. <https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2020.140873>
  21. Tamburini, E., Doni, L., Lussu, R., Meloni, F., Cappai, G., Carucci, A., Casalone, E., Mastromei, G., & Vitali, F. (2020). Impacts of anthropogenic pollutants on benthic prokaryotic communities in Mediterranean touristic ports. *Frontiers in Microbiology*. <https://doi.org/10.3389/fmicb.2020.01234>
  22. Tortora, K., Vitali, F., De Filippo, C., Caderni, G., & Giovannelli, L. (2020). DNA damage in colon mucosa of Pirc rats, an Apc-driven model of colon tumorigenesis. *Toxicology Letters*, 324, 12–19. <https://doi.org/10.1016/j.toxlet.2020.02.002>
  23. Butera, A., Di Paola, M., Vitali, F., De Nitto, D., Covotta, F., Borrini, F., Pica, R., De Filippo, C., Cavalieri, D., Giuliani, A., Pronio, A., & Boirivant, M. (2019). IL-13 mRNA tissue content identifies two subsets of adult ulcerative colitis patients with different clinical and mucosa-associated microbiota profiles. *Journal of Crohn's and Colitis*. <https://doi.org/10.1093/ecco-jcc/jjz154>
  24. Casalone, E., Cavalieri, D., Daly, G., Vitali, F., & Perito, B. (2020). Propolis hosts a diverse microbial community. *World Journal of Microbiology and Biotechnology*, 36(3), 1–11. <https://doi.org/10.1007/s11274-020-02827-0>
  25. Di Paola, M., Rizzetto, L., Stefanini, I., Vitali, F., Massi-Benedetti, C., Tocci, N., Romani, L., Ramazzotti, M., Lionetti, P., De Filippo, C., & others. (2020). Comparative immunophenotyping of *Saccharomyces cerevisiae* and *Candida* spp. strains from Crohn's disease patients and their interactions with the gut microbiome. *Journal of Translational Autoimmunity*, 3, 100036. <https://doi.org/10.1016/j.jtauto.2020.100036>
  26. Di Paola, M., Seravalli, V., Paccosi, S., Linari, C., Parenti, A., De Filippo, C., Tanturli, M., Vitali, F., Torcia, M.G. and Di Tommaso, M., 2020. Identification of Vaginal Microbial Communities Associated with Extreme Cervical Shortening in Pregnant Women. *Journal of clinical medicine*, 9(11), p.3621.
  27. Modesto, M., Satti, M., Watanabe, K., Puglisi, E., Morelli, L., Huang, C. H., Liou, J. S., Miyashita, M., Tamura, T., Saito, S., Mori, K., Huang, L., Sciavilla, P., Sandri, C., Spiezio, C., Vitali, F., Cavalieri, D., Perpetuini, G., Tofalo, R., Mattarelli, P. (2019). Characterization of *Bifidobacterium* species in faeces of the Egyptian fruit bat: Description of *B. vespertilionis* sp. nov. and *B. roussetti* sp. nov. *Systematic and Applied Microbiology*, 42(6). <https://doi.org/10.1016/j.syapm.2019.126017>
  28. Meriggi, N., Di Paola, M., Vitali, F., Rivero, D., Cappa, F., Turillazzi, F., Gori, A., Dapporto, L., Beani, L., Turillazzi, S., & Cavalieri, D. (2019). *Saccharomyces cerevisiae* Induces Immune Enhancing and Shapes Gut Microbiota in Social Wasps. *Frontiers in Microbiology*, 10, 2320. <https://doi.org/10.3389/fmicb.2019.02320>
  29. Vitali, F., Raio, A., Sebastiani, F., Cherubini, P., Cavalieri, D., & Coccozza, C. (2019). Environmental pollution effects on plant microbiota: the case



study of poplar bacterial-fungal response to silver nanoparticles. *Applied Microbiology and Biotechnology*, 103(19). <https://doi.org/10.1007/s00253-019-10071-2>

30. Vitali, F., Mandalakis, M., Chatzinikolaou, E., Dailianis, T., Senatore, G., Casalone, E., Mastromei, G., Sergi, S., Lussu, R., Arvanitidis, C., & Tamburini, E. (2019). Benthic prokaryotic community response to polycyclic aromatic hydrocarbon chronic exposure: Importance of emission sources in mediterranean ports. *Frontiers in Marine Science*, 6(SEP), 590. <https://doi.org/10.3389/fmars.2019.00590>
31. Vitali, F., Lombardo, R., Rivero, D., Mattivi, F., Franceschi, P., Bordoni, A., Trimigno, A., Capozzi, F., Felici, G., Taglino, F., Miglietta, F., De Cock, N., Lachat, C., De Baets, B., De Tré, G., Pinart, M., Nimptsch, K., Pischon, T., Bouwman, J., & Cavalieri, D. (2018). ONS: an ontology for a standardized description of interventions and observational studies in nutrition. *Genes & Nutrition*, 13(1), 12. <https://doi.org/10.1186/s12263-018-0601-y>
32. Bradamante, S., Rivero, D., Barenghi, L., Balsamo, M., Minardi, S. P., Vitali, F., & Cavalieri, D. (2018). SCD-stem cell differentiation toward osteoblast onboard the International Space Station. *Microgravity Science and Technology*, 30(5), 713-729. <https://doi.org/10.1007/s12217-018-9653-2>
33. Milan, M., Carraro, L., Fariselli, P., Martino, M. E., Cavalieri, D., Vitali, F., Boffo, L., Patarnello, T., Bargelloni, L., & Cardazzo, B. (2018). Microbiota and environmental stress: how pollution affects microbial communities in Manila clams. *Aquatic Toxicology*, 194. <https://doi.org/10.1016/j.aquatox.2017.11.019>
34. Vitali, F., Mastromei, G., Senatore, G., Caroppo, C., & Casalone, E. (2016). Long lasting effects of the conversion from natural forest to poplar plantation on soil microbial communities. *Microbiological Research*, 182, 89-98. <https://doi.org/10.1016/j.micres.2015.10.002>

## Partecipazione come oratore a corsi di formazione

- Vitali F. “ Data Analysis”, Convegno: Addressing microbial metabolic profile by means of Phenotype Microarray technology (BIOLOG) Organizzato in maniera telematica nell’ambito delle attività di training del progetto EXCALIBUR 18-19 aprile, 2023
- Vitali F. “From samples to sequences - From sequences to ecological insight with examples” corso teorico e pratico, RECYCLES workshop – Metagenomics and metabarcoding approaches to describe ecological systems and infer their development. Pisa5-7 luglio 2022
- Vitali F. “Studio ecologico del microbiota umano mediante analisi metagenomica: principi, metodi ed esempi”, Convegno: Genetica di nutrizione e microbiota intestinale: nuove frontiere per la prevenzione e la terapia personalizzata, Pisa 23/10/2021
- Vitali F. “Interpretazione bioinformatica dell’analisi metagenomica e dei sequenziamenti di ultimissima generazione”, MASTER Microbiota: aspetti fisiopatologici, clinici e terapeutici, Firenze (virtuale) 09/10/2021
- Vitali F. “Il microbiota nei disturbi alimentari”, I Microbiota umano: i principali fattori che ne influenzano l’equilibrio Pisa, 19/10/2019
- Vitali F. “Approccio metagenomico allo studio del microbioma umano nel volo spaziale” XXX CONVEGNO NAZIONALE AIMAS, Caserta, 6 - 8 giugno 2018
- Vitali F. “Training in Ontology” ENPADASI training Workshop, 19 gennaio 2017, Zaandam, Olanda



## Comunicazioni orali a convegni

- Bigiotti G. "Microarthropod's functional indices to assess mycorrhizae inocula across Europe". ORGHORT 2024; Varsavia, 17-20 settembre 2024
- Vitali F. "Combining phenomics and genomics for bioproduct development and use in agriculture". ORGHORT 2024; Varsavia, 17-20 settembre 2024
- Vitali F. "Phenomic and genomic characterization of pre-market bioproduct: insights on multifunctionality". TERRAenVISION 2024; Valencia, 8.11 luglio 2024
- Vitali F. "Valutazione della biodiversità agronomica del suolo: un approccio multilivello". 43° Congresso SISS; Roma, 5-7 Ottobre 2022
- Vitali F. "Semantics of fermented dairy foods: a microbiologist's perspective". IFOW 2021 Integrated Food Ontology Workshop, Bolzano, 15-18 Settembre 2021
- Reis-Costa A. "ONS modelling of diet concepts: further development required by the objective definition of "western diet", IFOW 2021 Integrated Food Ontology Workshop, Bolzano, 15-18 Settembre 2021
- Dooley D. "OBO Foundry Food Ontology Interconnectivity" IFOW 2021 Integrated Food Ontology Workshop, Bolzano, 15-18 Settembre 2021
- Vitali F. "Effetto della curcumina sul microbiota intestinale in un modello sperimentale di malattia di Huntington". WORKSHOP: avanzamenti nel campo della Nutrizione, Alimentazione & Invecchiamento Attivo (NUTRAGE), virtuale 28-29 APRILE 2021
- M. Dinu "Effects of a meat-based diet versus pesco-vegetarian diet on biochemical parameters: results from the MeaTlc Study", XLI CONGRESSO NAZIONALE SINU 2021", virtuale, 9-10 / 16-17 aprile 2021.
- S. Ristori. "Comparison of meat-based versus pesco-vegetarian diets harmful metabolite content in faeces: preliminary results from the MeaTlc Study". XLI CONGRESSO NAZIONALE SINU 2021", virtuale, 9-10 / 16-17 aprile 2021.
- Vitali F. "Stratification of ulcerative colitis patients according to distinctive tissue cytokine/microbiota profiles" Cortona Procarioti 2018, 17-19 maggio 2018, Cortona
- Vitali F., "Isolation, identification and characterization of Yeasts from the gut of invasive hornet *Vespa velutina*", 4th International Conference on Microbial Diversity 2017, 24-26 ottobre 2017, Bari
- Vitali F. "Ontologies and ONS" ENPADASI WP4 AND WP3 JOINT WORKSHOP, 21 ottobre 2016, Firenze
- Vitali F., "Operai del biorisanamento: studio di comunità microbiche durante test di biorisanamento su scala di laboratorio", Workshop del progetto BIOLANCLEAN, 22 settembre 2015, Cagliari.
- Vitali F., "Variation of microbial communities in the sediments of port areas", final conference del progetto MAPMED, 13-14 ottobre 2015, videoconferenza da Cagliari, sede della conferenza El Kantaoui, Tunisia.

## Riconoscimenti e premi

- Vincitore del "FEMS Young Scientist Meeting Grant" per la partecipazione al convegno "Microbial Diversity 2013: Microbial Interactions in Complex Ecosystems" tenutosi a Torino dal 23 al 25 ottobre 2013
- Vincitore di EMBO Travel Grant per la partecipazione al EMBO Practical Course intitolato "Microbial ecology: Hands-on training in prokaryotic and eukaryotic metagenomics (ICME-9)"; 2 - 7 settembre 2018,



## Appartenenza a gruppi / associazioni

Bruxelles

- Abilitazione all'esercizio della professione di Biologo dal 26/11/2021
- Partecipante alla EOSC Association Task Force: Semantic Interoperability
- Membro della "Società Italiana di Microbiologia Agro-Alimentare e Ambientale" (SIMTREA).
- Membro della "Società Italiana della Scienza del Suolo" (SISS)

## Corsi

- Partecipazione al corso "Il codice di comportamento dei dipendenti pubblici" con verifica finale, organizzato dal Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) in modalità telematica. 15/12/2023
- Partecipazione al corso "Excel Avanzato" con verifica finale, organizzato dal Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) in modalità telematica. 17/04/2023
- Partecipazione al corso pratico ICME9-EMBO "Microbial ecology: Hands-on training in prokaryotic and eukaryotic metagenomics", dal 2 al 7 settembre 2018, Bruxelles
- Partecipazione alla giornata di studio su "Il microbiota delle piante e il futuro dell'agricoltura" organizzata a Firenze dall'Accademia dei Georgofili e dal Dipartimento di Biologia dell'Università di Firenze, in data 26 Gennaio 2017.
- Partecipazione al corso "What a brave new soil!" facente parte della Trainbiodiverse Marie Curie ITN Summer School; 7 - 11 luglio 2014 Firenze
- Partecipazione al training per l'utilizzo del sistema di sequenziamento MiSeq 4-5 dicembre 2017 presso l'Incubatore Universitario Fiorentino (Firenze)
- Partecipazione al workshop di digital PCR organizzato da Life technologies il 5 novembre 2014 presso l'Incubatore Universitario Fiorentino (Firenze)

In fede  
Empoli, 10/11/2024  
FRANCESCO VITALI

